

004059

HOLE-ID	FROM	TO	INT	REC	RZC	SAMPLE	#ROCK	SG	PB+ZNY	PEX	ZN%	AG	AU	PO+PY%	SAO%	BA%
91DY05	433.0	434.3	1.3	1.3	100	65384	420	3.17	0.06	0.02	0.04	1.3	0.35	14.83		
91DY05	434.3	436.9	2.6	2.6	100	65385	594	2.80	0.07	0.01	0.06	0.6	0.01	2.72		
91DY05	436.9	437.7	0.8	0.8	100	65386	504	2.65	0.08	0.01	0.07	0.9	0.02	4.41		
91DY05	437.7	439.8	2.1	2.1	100	65387	468	3.83	0.13	0.08	0.05	5.6	0.63	25.91		
91DY05	439.8	440.6	0.8	0.8	100	65388	4984	3.58	2.01	1.09	0.92	16.9	0.69	36.21		
91DY05	440.6	442.4	1.8	1.8	100	65389	504	3.10	1.24	0.57	0.97	7.1	0.10	14.61		
91DY05	442.4	443.5	1.1	1.1	100	65390	427	3.88	3.98	2.35	1.61	27.0	0.73	31.84		
91DY05	443.5	446.1	2.6	2.6	100	65391	5046	2.85	0.10	0.03	0.07	0.3	0.07	5.13		
91DY05	451.3	452.5	1.2	1.2	100	65392	5067	2.77	0.12	0.05	0.05	1.9	0.02	4.15		
91DY05	452.5	453.7	1.2	1.2	100	65393	420	3.62	0.10	0.11	0.08	5.0	0.30	24.70		
91DY05	453.7	455.3	1.6	1.6	100	65394	4207	3.31	0.13	0.08	0.05	4.4	0.34	25.64		
91DY05	455.3	456.6	1.2	1.2	100	65395	422	3.54	0.04	0.02	0.02	5.5	0.32	22.50		
91DY05	456.6	457.7	1.2	1.2	100	65396	420	3.79	0.09	0.03	0.06	3.8	0.44	23.19		
91DY05	457.7	458.4	0.7	0.7	100	65397	427	3.82	0.08	0.05	0.03	3.8	0.59	25.50		
91DY05	458.4	459.0	0.6	0.6	100	65398	420	3.68	0.13	0.09	0.04	4.1	0.36	22.86		
91DY05	459.0	461.2	2.2	2.2	100	65399	420	2.82	0.06	0.01	0.05	1.2	0.01	3.85		
91DY05	461.2	461.6	0.4	0.4	100	65400	4624	3.43	2.01	0.98	1.03	14.6	1.82	18.85		
91DY05	461.6	463.3	1.7	1.7	100	65401	4246	4.11	1.08	0.83	0.25	11.6	0.81	28.77		
91DY05	463.3	464.5	1.2	1.2	100	65402	4246	4.25	1.62	0.97	0.75	11.9	0.66	30.16		
91DY05	464.5	465.4	0.9	0.9	100	65403	4656	3.74	2.39	1.24	1.15	19.9	0.43	20.90		
91DY05	465.4	466.4	1	1	100	65404	594	2.76	0.1	0.04	0.05	1.6	0.05	3.03		

HOLE-ID	FROM	TO	INT	REC	REC	SAMPLE	#ROCK	SG	PB+ZHX	PBX	ZHX	AG	AU	PO+PYX	HAOX	BAZ
91DY05	584.9	585.6	0.7	0.7	100	65329	4E4	4.04	19.29	9.05	10.24	123.0	1.26	19.38	5.91	3.40
91DY05	585.6	586.5	0.9	0.9	100	65330	4G0*	4.32	10.24	5.46	4.76	89.0	1.02	24.11	12.47	7.34
91DY05	586.5	587.7	1.2	1.2	100	65331	4G0	4.30	18.66	8.96	10.30	132.3	1.16	22.59	6.83	4.02
91DY05	587.7	588.2	0.5	0.5	100	65332	5A61	2.85	1.64	0.48	1.16	4.3	0.36	8.76	3.74	2.20
91DY05	588.2	588.5	0.3	0.3	100	65333	4C4	3.42	5.04	2.31	2.73	32.2	0.81	17.70	0.42	0.25
91DY05	588.5	590.0	1.5	1.5	100	65334	4D4	3.68	11.96	4.10	7.88	61.4	0.98	17.20	4.08	2.40
91DY05	590.0	590.5	0.5	0.5	100	65335	4C4	3.34	14.92	4.32	10.60	66.7	0.88	15.49	10.16	5.92
91DY05	590.5	591.6	1.1	1.1	100	65336	4C4	4.23	33.40	11.20	22.30	190.8	0.83	15.96	3.40	2.00
91DY05	591.6	592.2	0.6	0.6	100	65337	4G44	3.66	25.31	9.21	16.10	130.7	1.27	12.42	0.49	0.29
91DY05	592.2	592.7	0.5	0.5	100	65338	4C4B	3.36	14.66	4.56	10.10	97.4	0.56	10.26	5.87	5.22
91DY05	592.7	595.0	2.3	2.3	100	65339	5A6	2.68	0.50	0.21	0.28	3.6	0.12	4.26	3.57	2.10
91DY05	595.0	595.5	0.5	0.5	100	65340	4A4	3.39	12.94	3.55	9.39	66.6	0.85	11.61	7.27	4.28
91DY05	595.5	596.8	0.3	0.3	100	65341	4D4	3.73	12.46	3.00	9.45	70.6	0.51	20.21	0.80	0.47
91DY05	596.8	596.6	0.7	0.7	100	65342	4G46	3.86	5.18	1.99	4.09	13.6	0.32	28.46	1.31	0.77
91DY05	596.6	597.1	0.6	0.6	100	65343	5C14	3.26	2.40	0.76	1.66	9.6	0.09	16.97	9.48	5.68
91DY05	597.1	597.7	0.6	0.6	100	65344	4G44	3.88	31.19	7.29	23.90	192.1	0.62	10.56	9.00	5.30
91DY05	597.7	598.0	0.3	0.3	100	65345	5C41	3.16	8.96	2.57	6.38	31.2	0.31	12.20	0.80	0.47
91DY05	598.0	599.2	1.2	1.2	100	65346	4D4	3.94	31.03	8.23	22.80	169.8	0.62	12.81	3.77	2.32
91DY05	599.2	599.6	0.6	0.6	100	65347	4D44	3.86	20.55	6.96	13.60	106.1	0.94	16.48	3.43	2.02
91DY05	599.6	601.5	1.7	1.7	100	65348	4G4	3.39	27.60	6.20	21.40	108.6	0.47	6.34	1.78	1.02
91DY05	601.5	603.7	2.2	2.2	100	65349	5A8	2.54	0.16	0.05	0.11	0.1	0.04	3.55	9.64	2.14
91DY05	603.7	604.4	0.7	0.7	100	65350	5B46	2.69	0.13	0.06	0.07	0.1	0.08	4.40	6.57	5.28
91DY05	604.4	604.6	0.2	0.2	100	65351	4H84	3.74	10.58	3.44	7.14	50.8	0.11	31.58	1.29	0.76
91DY05	604.6	605.8	1.2	1.2	100	65352	10X9	2.88	0.46	0.16	0.32	1.5	0.08	3.25	8.53	5.02
91DY05	605.8	606.3	0.5	0.5	100	65353	5B18	4.22	0.95	0.09	0.02	0.1	0.03	4.40	14.10	8.30
91DY05	606.3	606.7	0.4	0.4	100	65354	4H0	4.22	12.88	3.29	9.57	60.2	0.16	40.76	1.10	0.65
91DY05	606.7	607.9	0.3	0.3	100	65355	10C99	3.47	14.41	3.81	10.80	87.2	0.49	17.23	5.30	3.12
91DY05	607.0	607.5	0.5	0.5	100	65356	4K0	3.77	13.89	4.35	6.54	108.8	0.42	19.44	5.57	3.28
91DY05	607.5	608.1	0.6	0.6	100	65357	4E04	4.11	9.24	2.60	6.64	49.4	0.46	28.52	0.76	0.45
91DY05	643.2	643.7	0.5	0.5	100	65358	5A6	2.79	0.03	0.01	0.02	3.1	0.07	3.18	0.76	0.45
91DY05	643.7	644.1	0.4	0.4	100	65359	5A62	2.81	0.69	0.26	0.41	5.2	0.06	6.27	1.02	0.60
91DY05	644.1	644.4	0.3	0.3	100	65360	4H8	3.42	12.60	4.06	8.55	69.6	0.29	20.52	0.26	0.15
91DY05	644.4	645.1	0.7	0.7	100	65361	4D44	3.45	10.63	3.41	7.22	69.1	0.42	14.79	0.37	0.22
91DY05	645.1	646.0	0.9	0.9	100	65362	5A63	2.80	0.16	0.06	0.11	0.9	0.06	3.94	1.29	0.78
91DY05	646.0	648.0	2.0	2	100	65363	5A63	2.79	0.21	0.04	0.17	0.7	0.08	3.30	1.29	0.76
91DY05	648.0	649.2	1.2	1.2	100	65364	4A14	2.87	6.53	2.01	4.53	39.9	0.31	2.57	0.66	0.40
91DY05	649.2	649.5	0.3	0.3	100	65365	5A6	2.77	1.94	0.51	1.43	8.3	0.11	3.51	1.05	0.62
91DY05	649.5	649.9	0.4	0.4	100	65366	5A69	2.84	3.05	1.01	2.04	17.8	0.28	4.38	0.63	0.37
91DY05	649.9	650.9	1.0	1	100	65367	5B4	2.61	0.92	0.31	0.11	10.8	0.10	3.49	0.49	0.29
91DY05	650.9	652.4	1.5	1.5	100	65368	4L14	2.59	4.71	1.62	2.89	31.5	0.66	5.76	0.27	0.16
91DY05	652.4	653.5	1.1	1.1	100	65369	5C46	2.61	0.16	0.07	0.09	0.6	0.04	5.44	0.39	0.23
91DY05	653.5	654.7	1.2	1.2	100	65370	5C46	2.78	0.52	0.20	0.32	2.6	0.07	3.66	0.37	0.22
91DY05	654.7	655.1	0.4	0.4	100	65371	5A61	2.74	0.70	0.30	0.40	5.5	0.09	3.23	0.44	0.26
91DY05	655.1	658.2	3.1	3.1	100	65372	5C7	2.75	0.11	0.02	0.09	0.1	0.02	2.79	0.29	0.17
91DY05	658.2	659.0	0.8	0.8	100	65373	5A6	2.67	1.09	0.26	0.83	1.3	0.02	7.12	0.37	0.22
91DY05	659.0	659.4	0.4	0.4	100	65374	5C7	2.82	0.60	0.25	0.35	2.6	0.01	4.99	0.2	0.12
91DY05	659.4	660.7	1.3	1.3	100	65375	5A6	2.74	3.76	1.44	2.32	19.5	0.44	4.54	0.25	0.15
91DY05	660.7	661.3	0.6	0.6	100	65376	5F46	2.85	0.14	0.04	0.10	0.1	0.01	4.60	0.41	0.24
91DY05	661.3	662.1	0.6	0.8	100	65377	5A61	2.94	1.22	0.31	0.91	3.9	0.16	10.28	0.75	0.44
91DY05	662.1	662.8	0.7	0.7	100	65378	5C8	2.80	0.27	0.06	0.21	0.1	0.02	2.86	0.14	0.06
91DY05	662.8	663.3	0.5	0.5	100	65379	5C6	2.82	0.24	0.08	0.18	0.1	0.04	2.20	0.25	0.15
91DY05	678.5	680.6	1.0	1	100	65380	5A69	2.85	3.13	1.07	2.06	19.7	0.23	3.45	1.83	1.08
91DY06	430.6	431.7	0.9	0.9	100	65381	5B4	2.81	0.19	0.06	0.13	1.9	0.01	4.01		
91DY05	431.7	432.1	0.4	0.4	100	65382	4C0	3.24	0.31	0.23	0.63	3.4	0.34	20.09		
91DY05	432.1	433.0	0.9	0.9	100	65383	5B4	2.61	0.03	0.01	0.02	0.2	0.01	3.32		